

Zeit	Raum A (Aula)	Raum (HS 0.120)	Raum C (HS 0.701)	Raum D (SemR 0.138)
08:30-10:15	Eröffnung und Preisverleihung			
10:25-12:30	Plenartagung (s. Hauptprogramm)			
Kaffeepause				
Mittagspause				
14:00 - 15:40	<p>Moderation: Dr. Valentin Haas</p> <p>A01. Schnitzelberger, M.; Halli, K.; Yin, T.; König, S.: Alternative Ansätze zur Entwicklung einer Zuchtwertschätzung auf Hitzetoleranz bei Holstein-Friesian (GI-Tz)</p> <p>A02. Schröder, K.; Thaller, G.; Brandt, M.; Gertz-Gerwinn, M.; Vosgerau, S.; Burger, B.; Hinrichs, D.; Krattenmacher, N.: Schätzung tierindividueller Methanemissionen beim Angler Rind unter Nutzung bestehender Schätzformeln (KI-Tz)</p> <p>A03. Abdalla, E.; Heise, J.; Polman, L.; Rensing, S.; Liu, Z.; Alkholder, H.; Reents, R.: Genetic analysis of feed efficiency in German Holsteins (VIT)</p> <p>A04. Shabalina, T.; Kammer, M.; Grandl, F.; Duda, J.: Herausforderungen bei der Verwendung von Stallklimasensoren im Routineeinsatz und die Wirkung des THI auf die Reproduktionsmerkmale von Milchkühen (LKV-BY)</p> <p>A05. Schneider, H.; Krizanac, A.-M.; Falck-Gieske, C.; Heise, J.; Tetens, J.; Thaller, G.; Bennewitz, J.: Novel statistical methods to assess the correlation between milk production and health traits in German Holstein cattle (Hoh)</p>	<p>Moderation: Dr. Isabella Giambra</p> <p>B01. Krull, F.; Hosseini, S.; Bleyer, M.; Brenig, B.: Findings from transcriptomics and immunohistochemistry reveal an autoimmune disease targeting brainstem inhibitory interneurons in bovine spastic paresis (Gö-MolBio)</p> <p>B02. Gheitanachi, F.; Giambra, I.; Hecker, A.S.; Strube, C.; König, S.; May, K.: Polymorphisms in vitamin D-related genes associated with milk somatic cell score and endoparasite infections in dairy cattle (GI-Tz)</p> <p>B03. Sakhaei-Far, S.; Yin, T.; König, S.: Longitudinal genome-wide association study for fertility traits in German Holstein cows (GI-Tz)</p> <p>B04. Ahmed, H.R.; Schmidtman, C.; Mugambe, J.; Thaller, G.: Genome wide association studies for productive and reproductive traits in beef-on-dairy crossbreeds (KI-Tz)</p> <p>B05. Müller, U.; Strucke, E.M.; Gao, J.; Rahmatalla, S.A.; Korkuc, P.; Reißmann, M.; Brockmann, G.A.: Sind SNPs assoziiert mit somatischem Zellgehalt geeignete Marker für das Auftreten pathogenspezifischer Mastitiden? (HU)</p>	<p>Moderation: Dr. Jeannette Probst</p> <p>C01. Geitner, E.; Eckart, C.; Brüggemann, D.A.; Judas M.: Schlachtkörperwertschätzung von Improvac-Ebern (MRI)</p> <p>C02. Geitner, E.; Zimmermann, S.; Mörlin, D.; Brüggemann, D.A.: Interaktion von RN Genmarkern und Fleischqualität bei Schweinen (MRI)</p>	<p>Moderation: Dr. Markus Schmid</p> <p>D01. Becker, M.; Roy, M.; Schuler, G.; Wagner, H.; Lühken, G.: Geschlechtsentwicklung und Reproduktion bei genetisch hornlosen Ziegen (GI-Gen)</p> <p>D02. Khan, M.J.; Bertram, H.; Schmitt, A.O.; Ramzan, F.; Gültas, M.: Exploring the Complex Genetic Mechanism Underlying the Milk Traits of Murciano-Granadina Goats (Soest)</p> <p>D03. Martin, R.; Pfele, C.; Schmucker, S.; Stefanski, V.; Bennewitz, J.; Schmid, M.: Zucht auf verbesserte Immunkompetenz gegenüber gastrointestinalen Nematoden beim Schaf (Hoh)</p> <p>D04. Oberspanning, J.; Brüggemann, K.; Engel, P.; Wagner, H.; Wehrnd, A.; König, S.: Clusteranalyse für Schafherden und Ableitung von Cluster-spezifischen ökonomischen Gewichten für Zuchtzielmerkmale (GI-Tz)</p> <p>D05. Zhang, X.; Giambra, I.; Yin, T.; Engel, P.; Wagner, H.; Wehrnd, A.; König, S.: Identification of high-impact functional variants associated with tail length at birth in Merinoland sheep (GI-Tz)</p>
Kaffeepause				
16:00	<p>Moderation: Dr. Valentin Haas</p> <p>A06. Schröder, J.; Krattenmacher, N.; Upadhyay, M.; Medugorac, I.; Thaller, G.: Analysen zum Einfluss von Red Holstein auf die genetisch aktive Fleckviehpopulation (KI-Tz)</p> <p>A07. Hüneke, L.; Schmidtman, C.; Rensing, S.; Thaller, G.; Heise, J.: Beeinflusst der Einsatz von Beef-on-Dairy die Nutzungsdauer in Milchviehherden? (VIT)</p> <p>A08. Mugambe, J.; Schmidtman, C.; Hidalgo, J.; Ahmed, R.; Thaller, G.: Genetic evaluation of beef sires using a Beef-on-Dairy crossbred reference using threshold-linear models (KI-Tz)</p>	<p>Moderation: Dr. Isabel Kilic</p> <p>B06. Krizanac, A.-M.; Reimer, C.; Heise, J.; Liu, Z.; Pryce, J.; Bennewitz, J.; Thaller, G.; Falck-Gieske, C.; Tetens, J.: A multi-trait meta-analysis of health traits in hundreds of thousands of German Holstein reveals new QTLs (Gö-FB)</p> <p>B07. Schwarz, L.; Heise, J.; Liu, Z.; Bennewitz, J.; Thaller, G.; Tetens, J.: Genomische Untersuchungen zur Reproduktion beim Holstein Rind: Analyse von genetischen Faktoren und deren Einfluss auf Zuchterfolge (Gö-FB)</p> <p>B08. Behren, L.E.; Vanvanhossou, S.F.U.; Breitmeier, L.; Stuthträger, J.; Rosner, F.; Swalve, H.H.; König, S.; May, K.: Phänotypische und genetische Beziehungen zwischen Merkmalen der Kuh-Mensch, Kuh-Kuh und Kuh-Roboter</p>	<p>Moderation: Dr. Christian Post</p> <p>C06. Bellersen, M.; Brinke, B.; Vob, B.; Henne, H.; Tholen, E.; Große-Brinkhaus, C.: Bedeutung von Genotyp x Fütterungs – Interaktion auf das Futteraufnahmeverhalten bei Landrasseebern (Bo)</p> <p>C07. Paul, D.; Reyer, H.; Oster, M.; Murani, E.; Wimmers, K.: Genetics on vitamin D-mediated mineral utilization and physiological determinants in pigs (FBN)</p> <p>C08. Volk, M.; Hinrichs, D.: Verknüpfung von Phänotyp und Genotyp durch moderne Datenerfassung; Entwicklung einer Protokollanwendung für die Tierforschung (Witz)</p>	<p>Moderation: Dr. Markus Schmid</p> <p>D06. Rahmatalla, S.A.; Neumann, G.B.; Korkuc, P.; Arends, D.; Omar, A.; Strucke, E.M.; Reissmann, M.; Brockmann, G.A.: Genomische Diversität Nubischer Ziegen in Afrika: Die Abstammung Anglo-Nubischer Ziegen (HU)</p> <p>D07. Zimmermann, N.; Schmid, M.; Bennewitz, J.; Pflanz, W.: Quantitativ-genetische Charakterisierung von Merkmalen der Wollqualität beim weiblichen Merinolandschaf (Weih)</p> <p>D08. Sajid, G.A.; Al-Janabi, S.A.A.; Zeb, S.; Çinar, M.U.: High-Throughput Detection of Cell Damage related hnRNPL Gene Activation in Ovine Epithelial Cells upon Staphylococcus aureus Stimulation (ErlU)</p>
17:05	DGZ Mitgliederversammlung			
19:30	Abendveranstaltung im Strandhaus 37			

Zeit	Raum A (Aula)	Raum (HS 0.120)	Raum C (HS 0.701)	Raum D (SemR 0.138)
08:00	<p>Moderation: Dr. Shahrbanou Hosseini</p> <p>A09. <u>Damilo</u>, A.; <u>Evans</u>, R.; <u>Blom</u>, A.; <u>Segelke</u>, D.; <u>Tetens</u>, J.: Characterising the genetic diversity of German and Irish Beef cattle breeds (VIT/Gö-FB)</p>	<p>Moderation: Dr. Thies Nicolaisen</p> <p>B09. <u>Lösel</u>, D.; <u>Dodenhoff</u>, J.; <u>Eisenreich</u>, R.; <u>Götz</u>, K.-U.: Untersuchungen zur Erblichkeit des Schweine-Entzündungs- und Nekrosesyndroms - Erste Ergebnisse aus dem Projekt HeriSINS (Lfl)</p>	<p>Moderation: Dr. Steffen Küster</p> <p>C09. <u>Abtew</u>, Y.A.; <u>Reyer</u>, H.; <u>Hadlich</u>, F.; <u>Oster</u>, M.; <u>Trakooljul</u>, N.; <u>Sommerfeld</u>, V.; <u>Rodehutschord</u>, M.; <u>Wimmers</u>, K.; <u>Ponsuksilli</u>, S.: The Impact of Diets without Mineral Phosphorus Supplementation on Gut Transcriptome and Epigenetic Changes in Laying Hens (FBN)</p>	<p>Moderation: Dr. Nina Krattenmacher</p> <p>D09. <u>Wobbe</u>, M.; <u>Alkhoder</u>, H.; <u>Schmidtmann</u>, C.; <u>Stock</u>, K.-F.; <u>Krattenmacher</u>, N.; <u>Kalm</u>, E.; <u>Reents</u>, R.; <u>Nolte</u>, W.; <u>Tetens</u>, J.; <u>Thaller</u>, G.: Pedigreebasierte und genomische Verwandtschaftsanalysen zur deutschen Reitferderpopulation (VIT)</p>
08:20	<p>A10. <u>Alkhoder</u>, H.; <u>Liu</u>, Z.; <u>Reents</u>, R.: A weekly genomic evaluation of newly genotyped selection candidates based on a single-step genomic model (VIT)</p>	<p>B10. <u>Lickfett</u>, H.; <u>Oster</u>, M.; <u>Vernunft</u>, A.; <u>Reyer</u>, H.; <u>Bostedt</u>, H.; <u>Wimmers</u>, K.: Wie beeinflussen Rasse und Haltungssystem Ferkel mit unterschiedlichem Geburtsgewicht (FBN)</p>	<p>C10. <u>Schäfers</u>, S.; <u>Kemper</u>, N.: Auswirkungen eines modifizierten Gebäudes und einer proaktiven Belüftung auf den Energie- und Wasserverbrauch in einem Broilerstall (TIHo)</p>	<p>D10. <u>Reich</u>, P.; <u>Falkner-Gieske</u>, C.; <u>Chessari</u>, G.; <u>Criscione</u>, A.; <u>Stock</u>, K.-F.; <u>Kühn</u>, C.; <u>Thaller</u>, G.; <u>Tetens</u>, J.: Strukturelle Varianten und Tandem Repeats beim Pferd: Charakterisierung und Anwendung in genomischen Analysen (Gö-FB)</p>
08:40	<p>A11. <u>Anglhuber</u>, C.; <u>Eitel</u>, C.; <u>Pimentel</u>, E.C.G.; <u>Emmerling</u>, R.; <u>Götz</u>, K.-U.; <u>Thaller</u>, G.: H-Matrix und Metafounder (Lfl)</p>	<p>B11. <u>Zhao</u>, B.; <u>Wutke</u>, M.; <u>Lieboldt</u>, M.-A.; <u>Dirksen</u>, N.; <u>Traulsen</u>, I.: Automatische Detektion des Säugeverhaltens bei Sauen: Verknüpfung von akustischen und visuellen Methoden (KI-Th)</p>	<p>C11. <u>Sun</u>, C.M.; <u>Geibel</u>, J.; <u>Cavero Pintado</u>, D.; <u>Preisinger</u>, R.; <u>Simianer</u>, H.; <u>Weigend</u>, S.; <u>Reimer</u>, C.: Fine-mapping pinpoint candidate genes and pleiotropic loci in GWAS-based QTL from a chicken backcrossing scheme (FLI)</p>	<p>D11. <u>Petzsch</u>, M.; <u>Reich</u>, P.; <u>Križanec</u>, A.-M.; <u>Kühn</u>, C.; <u>Thaller</u>, G.; <u>Tetens</u>, J.: Genomische Analysen von Osteochondrosis dissecans in einer Kohorte deutscher Warmbluthengste (Gö-FB)</p>
09:00	<p>A12. <u>Auffhof</u>, L.; <u>Halli</u>, K.; <u>May</u>, K.; <u>König</u>, S.: Merkmalsreaktionen von Holstein Friesian Kuhgruppen mit unterschiedlichem genetischen Niveau in Bezug zu einer „Low Input“-Fütterung (Gi-Tz)</p>	<p>B12. <u>Wahnhoff</u>, J.; <u>Wutke</u>, M.; <u>van Asten</u>, A.; <u>Kemper</u>, N.; <u>Traulsen</u>, I.: Erdrückungsrisiko minimieren: Automatisierte Videoanalyse von Positionswechseln bei Sauen (KI-Tz)</p>	<p>C12. <u>Vogt</u>, J.; <u>Gültas</u>, M.; <u>Tiemann</u>, I.: Identifikation subtiler, zum Federpicken führender Verhaltensmuster bei Puten, unter Verwendung des Echtzeit-Objektkennungs-Frameworks YOLOv10 und der AEMD-Metrik (Soest)</p>	<p>D12. <u>Chessari</u>, G.; <u>Reich</u>, P.; <u>Criscione</u>, A.; <u>Falkner-Gieske</u>, C.; <u>Mastrangelo</u>, S.; <u>Tumino</u>, S.; <u>Bordonaro</u>, S.; <u>Marletta</u>, D.; <u>Tetens</u>, J.: Comparison between SNP array and imputed data to estimate population structure in horse breeds (Ucatania/Gö-FB)</p>
Kaffeepause				
09:40	<p>Moderation: Dr. Shahrbanou Hosseini</p> <p>A13. <u>Javad</u>, M.; <u>Heinrich</u>, F.; <u>Boelhaue</u>, M.; <u>Schmitt</u>, A.O.; <u>Gültas</u>, M.: Unraveling the Genetic Architecture of Mastitis: A Data Fusion Approach Using the 1000 Bull Genomes Project Dataset (Soest)</p>	<p>Moderation: Dr. Eva Held-Hölker</p> <p>B13. <u>Klein</u>, S.; <u>Reiche</u>, S.; <u>Dosch</u>, R.; <u>Altgilbers</u>, S.; <u>Kues</u>, W.; <u>Risius</u>, A.: Critical steps for germ-line specification in chicken elucidated with the germ plasma organizer Bucky Ball (FLI)</p>	<p>Moderation: Dr. Lisa Jung</p> <p>C13. <u>Siebenmorgen</u>, C.; <u>Mörlein</u>, D.; <u>Strack</u>, M.; <u>Risius</u>, A.: Akzeptanz lokaler Hühner-Gebrauchskreuzungen in einer deutschen Cafeteria (Gö-PQ)</p>	<p>Moderation: Dr. Nina Krattenmacher</p> <p>D13. <u>Lange</u>, T.; <u>Brügemann</u>, K.; <u>König</u>, S.: Genetische und phänotypische Analysen zur Entwicklung des Stockmaßes unter Berücksichtigung von Inzucht und Fremdblutanteil in der Deutschen Reitponyzucht (Gi-Tz)</p>
10:00	<p>A14. <u>Keßler</u>, F.; <u>Wellmann</u>, R.; <u>Chagunda</u>, M.G.G.; <u>Bennewitz</u>, J.: Towards a resilience selection index with indicator traits in German Holstein dairy cattle (Hoh)</p>	<p>B14. <u>Fischer</u>, E.; <u>Geibel</u>, J.; <u>Klein</u>, C.; <u>Kühn</u>, C.; <u>Reimer</u>, C.: Systematische Analyse von Einflüssen auf die Messgenauigkeit von Körpermaßen aus Bilddaten bei totgeborenen Kälbern (FLI)</p>	<p>C14. <u>Zegani</u>, E.; <u>Mott</u>, A.C.; <u>Biaschka</u>, C.; <u>Sohnrey</u>, B.; <u>Das</u>, G.; <u>Schwarz</u>, L.; <u>Dierks</u>, C.; <u>Hennies</u>, M.; <u>Tiemann</u>, I.; <u>Weigend</u>, S.; <u>Sharifi</u>, A.R.; <u>Tetens</u>, J.: ELISA-Based assessment of the antibody response to experimental A.galli infection in local chicken breeds (Gö-FB)</p>	<p>D14. <u>Nolte</u>, W.; <u>Fischer</u>, R.; <u>Rosner</u>, F.; <u>Schafflik</u>, M.; <u>Kubitz</u>, C.; <u>Wensch-Dorendorf</u>, M.: Weiße Flecken auf der genomischen Landkarte: Untersuchungen zur Abzelenvererbung beim Schwere Warmblut (Hal)</p>
10:20	<p>A15. <u>Vanvanhossou</u>, S.F.U.; <u>Yin</u>, T.; <u>Gorjanc</u>, G.; <u>König</u>, S.: Optimal selection index to improve adaptive and productive traits in composite crosses considering genetic correlations and GXE effects (Gi-Tz)</p>	<p>B15. <u>Anwar</u>, K.; <u>Thaller</u>, G.; <u>Saeed-Zidane</u>, M.: The role of NRF2 in bovine spermatozoa antioxidant capacity (Tz-KI)</p>		
10:40-11:20				

09	10:40	<p>A16. <u>Gödeitz, H., Balzar, L., Wilder, J., Danchin, C., Spoelstra, M., Schoon, M.A., Hiemstra, S.J.: Ausnahmeregelungen in Zuchtprogrammen für gefährdete Nutztierassen laut EU-Tierzuchtverordnung (EU 2016/1012) (BLE)</u></p>	<p>B16. <u>Schreiber, M., Kurzella, J., Rings, F., Held-Hoelker, E., Hoelker, M.:</u> Zusatz von Tauroursodeoxycholic acid (TUDCA) zum IVP-Kulturmedium bei Rinderembryonen – Bedeutung für Entwicklungsraten und Kryovitalität (G6-BioReLaNu)</p>	<p>C16. <u>Streich, E., Brüggemann, K., Shuaibu, Z.A., Hilmes, N., Engel, P., Eder, K., Gattlinger, A., König, S.:</u> Untersuchungen zu Genotyp-Fütterungs-Interaktionen für Gewichtsentwicklungen, Futterverwertung und Gesundheitsparametern in der ökologischen Hühnerhaltung bei der Verfütterung von Insektenproteinen (GI-Tz)</p> <p>C17. <u>Oasir, H., Reyher, H., Oster, M., Ponsuksilli, S., Trakoojul, N., Sommerfeld, V., Rodehutscord, M., Wimmers, K.:</u> Endocrine and Transcriptional Responses to Reduced Dietary Phosphorus in Two High-Yielding Laying Hen Strains (FBN)</p>	<p>D16. <u>Krüger, A., Stuhlträger, J., Swalve, H.H.:</u> Das Schlesswiger Kaitblut - eine Bestandsaufnahme auf der Basis begleiteter Fragebögen (Hal)</p> <p>D17. <u>Ian, K.; Olamiyi Adeniyi, O.; Letko, A.; Manz, E.; Wagner, H.; Zanolani, P.; More, M.; Gutiérrez-Reynos, G.; Drögemüller, C.; Lühken, G.:</u> Genetic diversity and signatures of selection in European versus native Peruvian alpaca populations (GI-Gen)</p>
	11:00	<p>A17. <u>Hasenpusch, P., Wilder, T., Seidel, A., Krieter, J., Thaller, G.:</u> Validierung eines Indoor Ortungssystems zur automatisierten Erfassung von Persönlichkeitsmerkmalen bei Milchkühen (KI-Tz)</p>	<p>B17. <u>Rahimi, M.; Miskel, D.; Beurink, L.; Poirier, L.; Rings, F.; Schellander, K.; Held-Hoelker, E.; Havlicek, V.; Besenfelder, U.; Hoelker, M.:</u> Gene editing of in vivo and in vitro derived bovine zygotes via CRISPR/Cas9-RNP-electroporation (G6-BioReLaNu)</p>		
	11:40	<p>Moderation: Dr. Jeanette Probst</p> <p>A18. <u>Aikins-Wilson, S.; Hall, K.; Bohlouli, M.; Engel, P.; Reiner, G.; König, S.:</u> Assessing the effects of piglet behaviour, diet supplementation and lesion score breeding values of sires on behaviour pattern in weaned pigs (GI-Tz)</p>	<p>Moderation: Dr. Martin Wutke</p> <p>B18. <u>Schlüter, J.-S.; Schmitt, A.O.:</u> Big genomic data in agriculture-challenges and chances (G6-ZInf)</p>	<p>Moderation: Dr. Lisa Jung</p> <p>C18. <u>Debiasi, D.; Wutke, M.; Höne, U.; Renner, S.; Traulsen, I.:</u> Anwendung von KI für die Tiererkennung in der Schweinehaltung (KI-Th)</p>	<p>Moderation: Dr. Steffen Küster</p> <p>D18. <u>Weber, K.; Albersdörfer, R.; Weiler, H.; Kremer-Rücker, P.:</u> Schwanzspitzennekrosen bei Milchkühen - vielleicht sind es doch nicht Schieber und Spaltenboden? (Weih)</p>
	12:00	<p>A19. <u>Nicolaisen, T.J.; Bollmann, K.; Hennig-Pauka, I.; Fischer, S.:</u> Klassifikation von Schweineklauen in einem konventionellen Haltungssystem für Mastschweine (TIHo)</p>		<p>C19. <u>Geisler, S.; Hasler, M.; van Asten, A.; Kemper, N.; Traulsen, I.:</u> Innovative Gruppenhaltung im Deckzentrum: Untersuchung von Tierwohl und Verhalten in einer vorgeschalteten Arena mit Außenlauf (KI-Th)</p>	<p>D19. <u>Gondolf, K.; Gieseke, D.; König von Borstel, U.:</u> Einfluss der Fütterungsintensität auf das Tierwohl von Milchkühen – eine Bewertung mittels Welfare Quality Protocol (GI-Th)</p>
	11:40-12:40	Abschlussbesprechung			