

17. September 2014 Nachmittagssession I

	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
Moderation	Dr. M. Erbe Georg-August-Universität Göttingen	Dr. K. Schöpke Martin-Luther-Universität Halle-Wittenberg	Dr. D. Wittenburg Leibniz-Institut für Nutztierbiologie Dummerstorf	Dr. A. Rebl Leibniz-Institut für Nutztierbiologie Dummerstorf
14:00 Uhr	A01 <i>Pausch H., Schwarzenbacher H., Burgstaller J., Flisikowski K., Fries R.</i> Analyse umfangreicher Genotyp- und Sequenzdaten zur Identifizierung und Aufklärung einer erblich bedingten Wachstumsstörung beim Fleckvieh TUM-Tz	B01 <i>Plieschke S., Haberland A., Krogmeier D., Götz K.-U., Zeiler E., Bennewitz J</i> Rindergesundheitsmonitoring Bayern – Zusammenhänge zwischen tierärztlichen Diagnosedaten und Beobachtungen des Landwirts LfL-Tz	C01 <i>Gholami M., Reimer C., Erbe M., Preisinger R., Weigend A., Weigend S., Servin B., Simianer H.</i> Genome scan for selection signatures in layer chicken populations GAU-Tz	D01 <i>Nipkow M., Altmann S., Köbis J.M., Goldammer T.</i> Charakterisierung des Stressverhaltens von <i>Coregonus maraena</i> (Ostseeschnäpel) in Aquakultur FBN-IfG
14:20 Uhr	A02 <i>Große Holthaus A., Simianer H., Erbe M.</i> Genomische Zuchtwertschätzung für Subpopulationen der Rasse Deutsches Edelschwein GAU-Tz	B02 <i>Santos L.V., Brügemann K., König S.</i> Beziehungen zwischen Stressindikatoren, Produktionsmerkmalen und funktionalen Merkmalen beim Milchrind auf phänotypischer und genetischer Skala Ka-Tz	C02 <i>Navas A., Brockmann G.A., Weigend S., Schlather M., Simianer H.</i> Analysis of inbred chicken lines reveals genomic regions of preserved diversity GAU-Tz	D02 <i>Borchel A., Verleih M., Rebl A., Goldammer T.</i> Vergleichende Transkriptomanalysen zur Kälteschockantwort der Regenbogenforelle (<i>Oncorhynchus mykiss</i>) FBN-IfG
14:40 Uhr	A03 <i>Schmid M., Wellmann R., Thaller G., Bennewitz J.</i> Lokalisierung der additiv-genetischen Varianz für Assoziationskartierung Ho-Tz-Gen	B03 <i>Scheel C. Traulsen I., Auer W., Müller K., Krieter J.</i> Lahmheitserkennung bei Sauen mit Hilfe von Beschleunigungssensoren CAU-TP	C03 <i>Grams V., Preuß S., Bessei W., Bennewitz J.</i> Genetische Differenzierung divergent selektierter Hühnerlinien Ho-Tz-Gen	D03 <i>Brietzke A., Korytář T., Köllner B., Seyfert H.-M., Rebl A.</i> Regulierung von Faktoren des TLR-Signalweges im Verlauf einer <i>Aeromonas salmonicida</i> Infektion in der Regenbogenforelle (<i>Oncorhynchus mykiss</i>). FBN-IfG
15:00 Uhr	A04 <i>Müller M.-P., Rothhammer S., Seichter D., Ruß I., Hinrichs D., Tetens J., Thaller G., Medugorac I.</i> Kopplungs-Kopplungsungleichgewichtsanalyse von maternalen Fruchtbarkeitsmerkmalen in Holstein Rindern LMU-Tz	B04 <i>Grün V., Schmucker S., Schalk C., Flauger B., Stefanski V.</i> Housing conditions affect the immune response to an immunization in pregnant sows (<i>Sus scrofa</i>) Ho-Tz-V	C04 <i>Zerbin I., Distl O.</i> Ergebnisse einer genomweiten Assoziationsstudie mit dem High Density BeadChip für linksseitige Labmagenverlagerung beim Holstein Rind TiHo-ITV	D04 <i>Schlicht K., Thaller G., Schulz C., Tetens J.</i> QTL-Mapping für Wachstumsmerkmale beim Steinbutt (<i>Scophthalmus maximus</i>) CAU-Tz

15:20 Uhr	A05 <i>Plieschke L., Edel C., Pimentel E., Emmerling R., Bennewitz J., Götz K.-U.</i> Ansätze zur Berücksichtigung heterogener Basispopulationen in der genomischen Zuchtwertschätzung Lfl-Tz	B05 <i>Kühne P., Engelhard T., Scholz H., Wähner M.</i> Visuelle Bewertung und Messung des Scores der Hungergrube bei Kühen der Rasse Deutschen Holstein HSA-LOEL	C05 <i>Eltanany M., Hübner S., Lühken G.</i> Analysis of association between sequence variants in regions of candidate genes <i>TMEM154</i>, <i>CCR5</i> and <i>ZNF389</i> with maedi-visna susceptibility in sheep JLU-HP	D05 <i>Schrimpf R, Sieme H., Martinsson G, Distl O.</i> Genetische Analyse der Hengstfruchtbarkeit TiHo-ITV
15:40 Uhr	A06 <i>Pimentel E.C.G., Edel C., Emmerling R., Götz K.-U.</i> Werden genomische Zuchtwerte durch Imputationsfehler verzerrt? Lfl-Tz	B06 <i>Halli K., Koch C., Romberg F.-J., Hoy S.</i> Untersuchungen zum Einfluss der Brunst auf die Futteraufnahme von Milchkühen JLU-Tz	C06 <i>Knaust J., Weikard R., Kühn C.</i> Genetischer Hintergrund des „rat-tail“-Syndroms in einer Deutsche-Holstein x Charolais-Kreuzungspopulation FBN-IfG	D06 <i>Druml T., Brem G.</i> Bildgestützte Methoden in der Pferdezucht am Beispiel des Lipizzaners – Möglichkeiten, Limitationen und Perspektiven VMUW-Tz
Pause 30min				
17. September 2014 Nachmittagssession II				
	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
Moderation	Dr. P. Stratz Universität Hohenheim	Dr. K. Büttner Christian-Albrechts-Universität Kiel	Dr. N. Krattenmacher Christian-Albrechts-Universität Kiel	Dr. C. Kalbe Leibniz-Institut für Nutztierbiologie Dummerstorf
16:30 Uhr	A07 <i>Ma Y., Ding X., Qanbari S., Zhang Q., Simianer H</i> A novel combining strategy for the detection of selection signatures GAU-Tz	B07 <i>Schröter I., Brandt H.R., Hoy S.</i> Ist die automatische Aktivitätsmessung zur Prognose des optimalen Zeitintervalls für die Künstliche Besamung bei Milchkühen geeignet? JLU-Th	C07 <i>Wehrhahn C., Wittwer P, Beckmann S., Segelke D., Reinhardt F., Beck J., Schütz E., Brenig B.</i> Untersuchung von funktionellen und positionellen Kandidatengen für frühembryonale Sterblichkeit bei HF-Kühen GAU-Mol	D07 <i>Frevert H., Brügemann K., Yin T., König S.</i> Genetische Parameter für Erfolge von Reitpferden in nationalen und internationalen Vielseitigkeitsprüfungen Ka-Tz
16:50 Uhr	A08 <i>Ni G., Simianer H., Erbe M.</i> A new approach to approximate the accuracy of genomic breeding values GAU-Tz	B08 <i>Tietgen B., Laue H.J., Wiedemann S.</i> Anwendbarkeit automatisierter Messungen der reticulo-ruminalen Temperatur bei Bullenkälbern zur Fieberfrüherkennung CAU-Tg	C08 <i>Heuer C., Hinrichs D., Gertz M., Thaller G.</i> Application of parallel genomic evaluations in R CAU-Tz	D08 <i>Schulze-Geisthoevel S., Schmithausen R., Stemmer F., Exner M., Bierbaum G., Bekeredjian-Ding I., Petersen B.</i> Das Auftreten von MRSA und ESBL in verschiedenen Stufen der Produktionskette Schweinefleisch und die Beurteilung der Gefahr von Antibiotikaresistenzentwicklung Bo-IWT-PG

	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
17:10 Uhr	A09 <i>Berger S., Erbe M., Schlather M., de los Campos G., Simianer H.</i> Skalenunabhängiger Vergleich der Linkage Disequilibrium Struktur zwischen Genen und Nicht-Genregionen GAU-Tz	B09 <i>Ebschke S., von Borell E.</i> Tierbezogene Indikatoren zur Bewertung der Tiergerechtigkeit von Rinderhaltungsverfahren MLUH-TN	C09 <i>Ertl J., Edel C., Pimentel C., Emmerling R., Götz K.-U.</i> Berücksichtigung von Dominanz im One-Step-Verfahren der Zuchtwertschätzung LfL-Tz	D09 <i>Welzenbach J., Große-Brinkhaus C., Neuhoff C., Schellander K., Looft C., Tholen E.</i> Metaboliten-Profile als Biomarker für Tropfsaftverluste beim Schwein Bo-IWT-Gen
17:30 Uhr	A10 <i>Blunk I., Reinsch N.</i> Genetische Varianzkomponenten bei variierendem Imprinting FBN- IfGB	B10 <i>Czycholl I.,Kniese C., Schrader L., Krieter J.</i> Reliabilität des Welfare Quality®-Protokolls für Mastschweine CAU-TP	C10 <i>Naderi S., Yin T., König S.</i> Application of random forest methodology for genomic selection of disease traits in dairy cattle Ka-Tz	D10 <i>Schwanitz S., Bernau M., Kreuzer L.S., Scholz A.M.</i> Ebergeruch und Körperzusammensetzung – vergleichend für Eber, immunokastrierte und konventionell kastrierte Schweine LMU-Tz
17:50 Uhr	A11 <i>Dressel H., Wensch-Dorendorf M., Swalve H.H.</i> Genetisch-statistische Auswertung von Merkmalen der linearen Beschreibung des Exterieurs bei Holstein Rindern MLUH-Tz	B11 <i>Reinartz S., Maus F., Hellige M., Wenning P., Heppelmann M., Distl O.</i> Phänotypische Variation der Lippenkieferspalten beim Vorderwälderrind TiHo-ITV	C11 <i>Reimer C, Schlather M., Distl O., Simianer H.</i> Jeder Signatur ihr Beobachtungsfenster: Flexible Dimensionierung von Beobachtungsfenstern bei der Suche nach Selektionssignaturen im Minischweinegenom GAU-Tz	D11 <i>Zhang R., Neuhoff C.,Uddin M.J., Cinar M.U., Große-Brinkhaus C., Tesfaye D., Tholen E., Looft C., Schellander K.</i> Polymorphisms and expression analysis of SOX-6 in relation to porcine growth, carcass and meat quality traits Bo-IWT-Tz
18:10 Uhr	A12 <i>Gertz M., Heuer C., Krattenmacher N., Dodenhoff J., Edel C., Götz K.-U., Ruß I., Thaller G.</i> Genomic Selection in Pigs: How to validate? CAU-Tz	B12 <i>Moeller R., Nuernberg K., Brockmann G.A.</i> Vergleich von Parametern zur Beurteilung der Energieversorgung von Jungkühen in der Frühlaktation unter Einbeziehung des Fettsäuremusters in Haaren HU-ZmT	C Konferenzraum (1. Etage) Mitgliederversammlung DGfZ ca. 18:30 Uhr	frei
18:30 Uhr	„Student’s get together“ mit Besichtigungsprogramm im FBN			
20:00 Uhr	Abendveranstaltung im FBN			

18. September 2014 Vormittagssession I

	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
Moderation	Dr. C. Große-Brinkhaus Universität Bonn	Dr. C. Lambertz Georg-August-Universität Göttingen	Dr. R. Sharifi Georg-August-Universität Göttingen	Dr. C. Dierks Tierärztliche Hochschule Hannover
8:30 Uhr	A13 <i>Wiebelitz J., Liu Z., Reinhardt F., Simianer H.</i> Möglichkeiten der Kombination von Zuchtwerten aus einem linearen Mehr-Merkmals-Ansatz zu einem Gesamtzuchtwert für die Nutzungsdauer beim Milchrind GAU-Tz	B13 <i>Rumphorst T., Vogt A.-K., Plesch G., Wittmann M.</i> Untersuchung zur Akzeptanz einer Kraftfutterstation bei Milchkühen FH-SWF	C13 <i>Zhang Y., Weigend S., Weigend A., Preisinger R., Schmutz M., Römisch-Margl L., Jonczyk R., Piepho H.P., Malik W.A., Sizenstock F., Simianer H., Sharifi A.R.</i> Association between metabolites in egg yolk and hatchability traits in laying hens GAU-Tz	D13 <i>Wirthgen E., Egerszegi I., Ratky J., Brüssow K.-P., Höflich A.</i> Eignen sich Komponenten des Insulin-like Growth Factor Systems als objektive Biomarker zur Einschätzung von „Tierwohl“? FBN-IfG
8:50 Uhr	A14 <i>Dierks C., Eder J., Glatzer S., Lehner S., Distl O.</i> Entdeckung einer neuen Doppellendermutation beim Gelbvieh TiHo-ITV	B14 <i>Füllner B., Scholz H., Wähner M.</i> Analyse ausgewählter Verhaltensweisen von Milchkühen der Rasse Deutsche Holstein in verschiedenen Melksystemen in Deutschland HSA-LOEL	C14 <i>Janisch S., Krischek C., Wimmers K., Wicke M.</i> Einfluss der Bruttemperatur auf das Wachstum von Broilerküken sowie die mitochondriale Atmungsaktivität in der Brustmuskulatur GAU-PQ	D14 <i>Ohde D., Brenmoehl J., Walz C., Höflich A.</i> Identifizierung und Charakterisierung Energiestoffwechsel-relevanter microRNAs in Dummerstorfer „Marathon“-Mäusen (DUHLB) FBN-IfG
9:10 Uhr	A15 <i>Rothammer S., Kremer P.V., Bernau M., Fernández-Figares Ibáñez I., Pfister-Schär J., Međugorac I., Scholz A.M.</i> Genomweite QTL-Kartierung von neun Merkmalen mit Einfluss auf Körperzusammensetzung und Knochenmineralgehalt beim Schwein. LMU-Tz	B15 <i>Prokop L., Knappstein K., Walte H.-G., Hammer P., Wiedemann S.</i> Mikrobiologische Qualität einer ad libitum Tränke für Kälber: Keimzahlentwicklung von unbehandelter, angesäuertes und pasteurisierter Tankmilch im Vergleich CAU-Tg	C15 <i>Falke N., Habig C., Schulz J., Hartung J., Kemper N.</i> Schlupf im Stall: Vom Brutei zum Broiler im geschlossenen System TiHo-ITTN	D15 <i>Wiedemann I., Mählmeyer A., Sharifi A.R., Knorr C.</i> Assoziationen zwischen Varianten des porcinen DNAL4-Gens und spermatologischen Parametern GAU-Rep
9:30 Uhr	A16 <i>Görres A., Ponsuksili S., Wimmers K., Muráni E.</i> Analyse nicht-synonymer SNPs des porcinen <i>SERPINA6</i> Gens als potenzielle Ursache eines QTL für die Plasmakonzentration von Cortisol auf SSC7 FBN-IfG	B16 <i>Rose T., Traulsen I., Hellmuth U., Georg H., Krieter J.</i> Umgebungseinflüsse auf die statische und dynamische Positionierungsgenauigkeit des Ortungssystems „Ubisense“ CAU-TP	C16 <i>Naraballobh W., Murani E., Trakooljul N., Krischek C., Wicke M., Ponsuksili S., Wimmers K.</i> Acute and delayed transcriptional response of muscle tissue to transient variation of incubation temperature in broilers FBN-IfG	D16 <i>Goncharenko G, Rudischina N</i> Vergleichende Bewertung der Milcheignung für die Käseproduktion zwischen Milchkühen verschiedener Rassen Westsibiriens hinsichtlich des Genotypen Gen - Kappa – Casein SibFI-Tz (RUS)

	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
9:50 Uhr	A17 <i>Richter C., Brand B., Nürnberg G., Schwerin M.</i> Charakterisierung der hitzeinduzierten zellulären Stressantwort beim Rind – eine vergleichende Transkriptom-analyse FBN-IfG	B17 <i>Müller V., Wensch-Dorendorf M., Rosner F., Swalve H.H.</i> Eine genetisch-statistische Analyse zum Einfluss des Geburtsgewichts auf die Abgangswahrscheinlichkeit für Ferkel MLU-Tz	C17 <i>Sepeur S., Schulze Hillert M., Andersson R., Spindler B., Kemper N.</i> Einfluss des Schnabelzustandes auf die Tiergesundheit von Legehennen in Praxisbetrieben mit Bodenhaltung TiHo-ITTN	D17 <i>Korn A.K., Brandt H., Erhardt G.</i> Zahnveränderungen beim Kaninchen - Diagnostik, Auftreten, genetische Faktoren JLU-Tz
10:10 Uhr	A18 <i>Friedrich J., Melzer N., Nürnberg G., Repsilber D., Schwerin M., Brand B.</i> Gewebespezifische Genexpression bei Milchleistungs-differenten Kühen der Kreuzung DH x Cha Ro-AUF	B18 <i>Ammer S., Gaulty M., Lambertz C.</i> Einfluss des Klimas auf die Konzeptionsrate bei Milchkühen GAU-PsN	C18 <i>Beck P., Rodehutschord M., Bennewitz J., Bessei W.</i> Untersuchungen zur genetischen Variabilität in der Phosphorverwertung von wachsenden Japanischen Wachteln (<i>Coturnix japonica</i>) Ho-Tz-Gen	D18 <i>Giersberg M.F., Fels M., Kemper N.</i> Planimetrische Untersuchung von Mast- und Zuchtkaninchen TiHo-ITTN
Pause 30min				
18. September 2014 Vormittagssession II				
	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
Moderation	Dr. C. Weimann Justus-Liebig-Universität Gießen	Dr. S. Düpjan Leibniz-Institut für Nutztierbiologie Dummerstorf	Dr. D. Tesfaye Universität Bonn	Dr. D. Sorg Martin-Luther-Universität Halle-Wittenberg
11:00 Uhr	A19 <i>Metzger J, Tonda R., Beltran S., Águeda L., Gut M., Distl O.</i> Runs of homozygosity an Next Generation Sequencing Daten des Pferdegenoms TiHo-ITV	B19 <i>Gieseke D., Gaulty M., Lambertz C.</i> Untersuchungen zum Zusammenhang von Leistung und Tierwohl bei Milchkühen GAU-PsN	C19 <i>von Senden H. genannt Haverkamp, Brandt H., Erhardt G.</i> Genetische Untersuchungen zur Schwanzlänge und –form beim Merinolandschaf JLU-Tz	D19 <i>Steingräber L, Mischke R., Leeb T., Dietschi E., Schütz E., Brenig B.</i> Hämophilie A und B beim Hovawart GAU-Mol
11:20 Uhr	A20 <i>Karweina D., Martin L., Pieper R., Zentek J., Brockmann G.</i> Epigenetische Effekte von Zink auf die ZIP4 Gen Transkript-Expression im Darmepithel von Ferkeln HU-ZmT	B20 <i>Palm K., Soy S.</i> Zur Phänotypisierung des Sozialverhaltens von Jungsaunen mittels der elektronischen Abrufstation JLU-Tz	C20 <i>Schiller K.F., Preuss S., Kaffarnik S., Vetter W., Bennewitz J.</i> Untersuchung ausgewählter verzweigt-kettiger Fettsäuren in Fett- und Muskelgewebe von Merinoland Kreuzungs- und Reinzucht-Lämmern Ho-Tz	D20 <i>Gast A.C., Distl O.</i> Genetik der hereditären Ataxie bei Parson und Jack Russell Terriern TiHo-ITV

	A Großer Hörsaal (1. Etage)	B Messe (Erdgeschoss)	C Konferenzraum (1. Etage)	D Seminarraum (Erdgeschoss)
11:40 Uhr	<p>A21 <i>Yang Q., Neuhoff C., Zhang R., Pröll M., Große-Brinkhaus C., Uddin M., Cinar M., Fan H., Tesfaye D., Islam M.A., Qu X., Tholen E., Hölker M., Islam M.A., Schellander K.</i> Sulforaphane inhibits CD14 gene expression in LPS stimulated alveolar macrophages of German Landrace pigs Bo-IWT-Tz</p>	<p>B21 <i>Schmidt N., Schäffer D., von Borell E.</i> Erfassung von Schulterläsionen bei Zuchtsauen – Vergleich von Abferkelbuchten MLUH-TN</p>	<p>C21 <i>Prastowo S., Rings F., Neuhoff C., Tholen E., Looft C., Salilew-Wondim D., Schellander K., Tesfaye D., Hölker M.</i> Effect of serum supplementation in <i>in vitro</i> culture on AMP-activated protein kinase activity and lipid metabolism in bovine embryos Bo-IWT-Tz</p>	<p>D21 <i>Stölzl A.M., Lambertz C., Moors E., Gauly M.</i> Trockensubstanzaufnahme von Neuweltkameliden und deren Bedeutung für die Rationsgestaltung GAU-PsN</p>
12:00 Uhr	<p>A22 <i>Trakooljul N., Du Y., Ponsuksili S., Murani E., Oster M., Hadlich F., Brunner R.M. Wimmers K.</i> DNA methylation profiling via Reduced Representation Bisulfite Sequencing (RRBS) to reveal the effect of methyl donor rich maternal diets on hepatic DNA methylation changes of pig offspring FBN-IfG</p>	<p>B22 <i>Veit C., Traulsen I., Müller K., Tölle K.-H., Krieter J.</i> Einfluss einer Raufuttergabe auf das Auftreten von Schwanzbeißen in der Ferkelaufzucht CAU-TP</p>	<p>C22 <i>Burchardt B., Mall E., Ziegler M., Talluri T., Lucas-Hahn A., Niemann H.</i> Erstellung von murinen Aggregations-Chimären mit Venus-iPS-Zellen FLI-ING</p>	<p>D22 <i>Dowelmadina I.M.M., Weimann C., El-Zubeir I.E.M., Brandt H., Erhardt G.</i> Genetic characterization of 5 Sudanese camel ecotypes (<i>Camelus dromedarius</i>) by microsatellites JLU-Tz</p>
12:20 Uhr	<p>A23 <i>Ibrahim S., Salilew-Wondim D., Rings F., Hoelker M., Neuhoff C., Tholen E., Looft C., Schellander K., Tesfaye D.</i> Expression profiling of inflammatory response mRNAs and their potential regulatory miRNAs in bovine oviduct after <i>lipopolysaccharide</i> challenge and its implication on early embryonic development Bo-IWT-Tz</p>	<p>B23 <i>Arndt H, Hartung J., Spindler B., Briese A., Kemper N.</i> Planimetrische Ermittlung der Bodenflächenabdeckung durch Mastschweine in unterschiedlichen Körperpositionen am Ende der Mastperiode TiHo-ITTN</p>	<p>C23 <i>Kunze M., Walz C., Wirthgen E., Brenmoehl J., Höflich A.</i> Quantitative Bestimmung von Steroiden mittels LC-MS in Nutztieren FBN-IfG</p>	<p>D23 <i>Schindler N., Mayer J., Kirschstein T., Brenmoehl J., Walz C., Höflich A.</i> Die Bedeutung der Heparin-Bindungsdomäne von IGFBP-2 auf Wachstum und Funktion des Gehirns in der Maus FBN-IfG</p>